

CỘNG HÒA XÃ HỘI CHỦ NGHĨA VIỆT NAM
Độc lập - Tự do - Hạnh phúc

BẢN ĐĂNG KÝ XÉT CÔNG NHẬN ĐẠT TIÊU CHUẨN

CHỨC DANH: Giáo sư

Mã hồ sơ:

(Nội dung đúng ở ô nào thì đánh dấu vào ô đó: ; Nội dung không đúng thì để trống:)

Đối tượng đăng ký: Giảng viên ; Giảng viên thỉnh giảng

Ngành: Công nghệ thông tin; Chuyên ngành: Khoa học máy tính

A. THÔNG TIN CÁ NHÂN

1. Họ và tên người đăng ký: **LÊ SỸ VINH**

2. Ngày tháng năm sinh: 29/05/1980; Nam ; Nữ ; Quốc tịch: Việt Nam;

Dân tộc: Kinh; Tôn giáo: Không

3. Đảng viên Đảng Cộng sản Việt Nam:

4. Quê quán (xã/phường, huyện/quận, tỉnh/thành phố): Lưu Sơn, Đô Lương, Nghệ An

5. Nơi đăng ký hộ khẩu thường trú (số nhà, phố/thôn, xã/phường, huyện/quận, tỉnh/thành phố): Phòng 601, CT5, Mỹ Đình Mễ Trì, Mỹ Đình 1, Nam Từ Liêm, Hà Nội

6. Địa chỉ liên hệ (ghi rõ, đầy đủ để liên hệ được qua Bưu điện): Phòng 601, CT5, Mỹ Đình Mễ Trì, Mỹ Đình 1, Nam Từ Liêm, Hà Nội

Điện thoại nhà riêng: ...; Điện thoại di động: 0902262444; E-mail: vinhls@vnu.edu.vn

7. Quá trình công tác (công việc, chức vụ, cơ quan):

- Từ 9/2002 đến 1/2003: Giảng viên tạo nguồn, Khoa Công nghệ, Đại học Quốc Gia Hà Nội

- Từ 1/2003 đến 11/2005: Nghiên cứu sinh tại Đại học Tổng hợp Heinrich-Heine, thành phố Duesseldorf, Cộng hòa Liên bang Đức

- Từ 11/2005-2/2008: Nghiên cứu sau tiến sĩ, Bảo tàng Lịch sử Tự nhiên Hoa Kỳ, Thành phố New York, Bang New York, Hoa Kỳ

Ban hành kèm theo Công văn số: 82/HĐGSNN ngày 18/5/2022 của Chủ tịch HĐGS nhà nước
- Từ 2/2008-7/2016: Giảng viên, Khoa Công nghệ Thông tin, Trường Đại học Công nghệ,
Đại học Quốc gia Hà Nội.

- Từ 7/2016-đến nay: Chủ nhiệm Khoa Công nghệ Thông tin, Trường Đại học Công nghệ,
Đại học Quốc gia Hà Nội.

Chức vụ: Hiện nay: Chủ nhiệm Khoa Công nghệ thông tin; Chức vụ cao nhất đã qua: Chủ
nhiệm Khoa Công nghệ thông tin

Cơ quan công tác hiện nay: Khoa Công nghệ Thông tin, Trường Đại học Công nghệ,
ĐHQGHN

Địa chỉ cơ quan: Nhà E3, 144 Xuân Thủy, Cầu Giấy, Hà Nội

Điện thoại cơ quan: 0243.7547461

Thỉnh giảng tại cơ sở giáo dục đại học (nếu có):

8. Đã nghỉ hưu từ thángnăm

9. Trình độ đào tạo:

- Được cấp bằng ĐH ngày 05 tháng 07 năm 2002; số văn bằng: QC 000186; ngành: Tin
học, chuyên ngành:; Nơi cấp bằng ĐH (trường, nước): Đại học
Quốc gia Hà Nội

- Được cấp bằng ThS ngày ... tháng ... năm; số văn bằng:; ngành:;
chuyên ngành:; Nơi cấp bằng ThS (trường, nước):

- Được cấp bằng TS ngày 04 tháng 11 năm 2005, ngành: Khoa học Tự nhiên; số văn bằng:
...; ngành:.....; chuyên ngành: Khoa học máy tính (làm nghiên cứu sinh tại Bộ môn Khoa
học Máy tính thuộc Khoa Toán và Khoa học Tự nhiên); Nơi cấp bằng TS (trường, nước):
Trường Đại học tổng hợp Heinrich-Heine Duesseldorf, Cộng Hòa Liên Bang Đức

- Được cấp bằng TSKH ngày ... tháng ... năm; số văn bằng:; ngành:;
chuyên ngành:; Nơi cấp bằng TSKH (trường, nước):

10. Đã được bổ nhiệm/công nhận chức danh PGS ngày 08 tháng 04 năm 2015,

ngành: Công nghệ thông tin

11. Đăng ký xét đạt tiêu chuẩn chức danh Giáo sư tại HĐGS cơ sở: Trường Đại học Công
nghệ, Đại học Quốc gia Hà Nội.

12. Đăng ký xét đạt tiêu chuẩn chức danh Giáo sư tại HĐGS ngành, liên ngành: Công
nghệ Thông tin

13. Các hướng nghiên cứu chủ yếu:

- Phát triển các phương pháp tối ưu và tính toán hiệu năng cao nhằm xây dựng quá
trình tiến hóa của các loài sinh vật dựa vào các trình tự sinh học.

Ban hành kèm theo Công văn số: 82/HĐGSNN ngày 18/5/2022 của Chủ tịch HĐGS nhà nước

- Phân tích dữ liệu hệ gene, trong đó tập trung vào hệ gene người, nhằm dự đoán chức năng mà mối quan hệ giữa gene cũng như các biến đổi trên gene với các bệnh.

14. Kết quả đào tạo và nghiên cứu khoa học:

- Đã hướng dẫn (số lượng): 03 NCS bảo vệ thành công luận án TS;
- Đã hướng dẫn (số lượng):

(ứng viên chức danh GS không cần kê khai nội dung này);

- Đã hoàn thành đề tài NCKH từ cấp cơ sở trở lên: 03 đề tài Quỹ phát triển Khoa học Công nghệ Quốc gia (Nafosted) cấp Bộ; và 02 đề tài Quỹ Phát triển Khoa học Công nghệ Đại học Quốc Gia Hà Nội (tương đương cấp Bộ).

- Đã công bố (số lượng): 64 bài báo khoa học, trong đó 32 bài báo khoa học trên tạp chí quốc tế có uy tín (23 bài Q1; 8 bài Q2 và 1 bài Q3) và 22 bài đăng ở kỷ yếu hội nghị quốc tế thuộc danh mục Scopus

- Đã được cấp (số lượng) bằng độc quyền sáng chế, giải pháp hữu ích: 0

- Số lượng sách đã xuất bản: 3 quyển sách (2 sách giáo trình, 1 sách chuyên khảo) tại nhà xuất bản có uy tín;

- Số lượng tác phẩm nghệ thuật, thành tích huấn luyện, thi đấu thể dục, thể thao đạt giải thưởng quốc gia, quốc tế: 0

15. Khen thưởng (các huân chương, huy chương, danh hiệu):

- Bằng khen của Thủ tướng chính phủ về thành tích đạt Huy chương vàng Olympic Tin học Quốc tế năm 1998.
- Bằng khen của Bộ trưởng Bộ Giáo dục và Đào tạo các năm 2013, 2017, 2020, 2023.
- Giải thưởng Khoa học và Công nghệ của Đại học Quốc gia Hà Nội năm 2016 và 2021.
- Danh hiệu bài báo ‘Recent Citation Classics 2014-2018’ và danh hiệu bài báo ‘Emerging Classics 2020 và 2022’ của tạp chí ‘Molecular Biology and Evolution’.

16. Kỷ luật (hình thức từ khiển trách trở lên, cấp ra quyết định, số quyết định và thời hạn hiệu lực của quyết định): Không

B. TỰ KHAI THEO TIÊU CHUẨN CHỨC DANH GIÁO SƯ/PHÓ GIÁO SƯ

1. Tự đánh giá về tiêu chuẩn và nhiệm vụ của nhà giáo:

Là giảng viên Trường Đại học Công nghệ, Đại học Quốc gia Hà Nội từ năm 2008 đến nay, ứng viên tự nhận thấy mình đáp ứng tiêu chuẩn và hoàn thành tốt nhiệm vụ của nhà giáo:

- *Về phẩm chất, đạo đức:* Có phẩm chất đạo đức tốt, có lối sống lành mạnh, sống và làm việc tuân thủ theo pháp luật và nội quy của Nhà trường.
- *Về năng lực và nhiệm vụ chuyên môn:* Được đào tạo bài bản, đạt trình độ quốc tế về chuyên môn và nghiệp vụ. Trong quá trình công tác, ứng viên đã thực hiện tốt và vượt định mức các nhiệm vụ giảng dạy và nghiên cứu khoa học theo quy định của Bộ Giáo dục và Đào tạo; cũng như của Nhà trường (tham gia giảng dạy đại học và sau đại học, hướng dẫn sinh viên, học viên cao học và nghiên cứu sinh; viết giáo trình và sách chuyên khảo; xây dựng và phát triển chương trình đào tạo đại học và sau đại học).

Ban hành kèm theo Công văn số: 82/HĐGSNN ngày 18/5/2022 của Chủ tịch HĐGS nhà nước Ứng viên xây dựng nhóm nghiên cứu mạnh về Tin sinh học tại Đại học Quốc gia Hà Nội, cũng như tại Việt Nam. Nhóm nghiên cứu hợp tác sâu rộng với các nhóm nghiên cứu hàng đầu tại Việt Nam và trên thế giới (Nhật Bản, Úc, Châu Âu, và Mỹ) về Tin sinh học và hai lần được nhận Bằng khen của Đại học Quốc gia Hà Nội về các thành tích nghiên cứu khoa học.

Theo Google scholar, ứng viên có chỉ số H-index là 18; số lần trích dẫn trên 7888

- *Phát triển tổ chức:* Ứng viên cùng với các đồng nghiệp xây dựng và triển khai Khoa Công nghệ Thông tin (đơn vị nhiều lần nhận bằng khen và cờ thi đua của ĐHQGHN cũng như Bộ giáo dục và Đào tạo) và Trường Đại học Công nghệ, ĐHQGHN.
- *Hoạt động cộng đồng:* Ứng viên tham gia đóng góp vào nhiều hoạt động cộng đồng:
 - Thành viên hội đồng khoa học của Quỹ phát triển Khoa học và Công nghệ Quốc gia; Thành viên hội đồng khoa học ngành CNTT và ngành Khoa học sự sống của ĐHQGHN.
 - Huấn luyện viên, phụ trách và tham gia lựa chọn cũng như tập huấn các đội tuyển học sinh giỏi Tin học quốc gia và quốc tế của Việt Nam từ năm 2008
 - Tham gia ban tổ chức, ban giám khảo các cuộc thi Olympic Tin học sinh viên toàn quốc cũng như các kì thi Lập trình viên quốc tế ICPC.
 - Tham gia các tổ chức, hiệp hội nghề nghiệp như Ban chấp hành Hội tin học Việt nam; Phó chủ tịch Câu lạc bộ các Khoa-Trường-Viện CNTT Việt Nam.
 - Thành viên Ban biên tập Tạp chí Tin học và Điều khiển; tạp chí VNU Journal of Science: Computer Science & Communication Engineering.
 - Chủ trì và tham gia tổ chức các Hội nghị International Conference on Knowledge and Systems Engineering (KSE) và NAFOSTED Conference on Information and Computer Science (NICS)
 - Thành viên Ban giám khảo giải thưởng Nhân tài đất Việt
 - Tham gia Ban soạn thảo Bách khoa toàn thư lĩnh vực Công nghệ thông tin.

2. Thời gian, kết quả tham gia đào tạo, bồi dưỡng từ trình độ đại học trở lên:

- Tổng số năm thực hiện nhiệm vụ đào tạo: 16 năm 4 tháng
- Khai cụ thể ít nhất 06 năm học, trong đó có 03 năm học cuối liên tục tính đến ngày hết hạn nộp hồ sơ (ứng viên GS chỉ khai 3 năm cuối liên tục sau khi được công nhận PGS):

TT	Năm học	Số lượng NCS đã hướng dẫn		Số lượng ThS/CK2/BSNT đã hướng dẫn	Số đề án, khóa luận tốt nghiệp ĐH đã HD	Số giờ chuẩn gd trực tiếp trên lớp		Tổng số giờ chuẩn gd trực tiếp trên lớp/số giờ chuẩn gd quy đổi/số giờ chuẩn định mức (*)
		Chính	Phụ			ĐH	SĐH	
03 năm học cuối								

Ban hành kèm theo Công văn số: 82/HĐGSNN ngày 18/5/2022 của Chủ tịch HĐGS nhà nước

4	2021-2022	03		-	04	372.75		372.75/462.75/189
5	2022-2023	03		-	07	178.50		178.50/352.50/189
6	2023-2024	03		-	03	216.00	49.50	265.50/319.50/189

3. Ngoại ngữ:

3.1. Tên ngoại ngữ thành thạo phục vụ chuyên môn: Tiếng Anh

a) Được đào tạo ở nước ngoài:

- Học ĐH ; Tại nước:; Từ năm đến năm

- Bảo vệ luận văn ThS hoặc luận án TS ; tại nước: Cộng hòa Liên bang Đức năm 2005

b) Được đào tạo ngoại ngữ trong nước:

- Trường ĐH cấp bằng tốt nghiệp ĐH ngoại ngữ: số bằng:; năm cấp:.....

c) Giảng dạy bằng tiếng nước ngoài:

- Giảng dạy bằng ngoại ngữ: Tiếng Anh

- Nơi giảng dạy (cơ sở đào tạo, nước): Trường Đại học Công nghệ, ĐHQGHN

d) Đối tượng khác ; Diễn giải:

3.2. Tiếng Anh (văn bằng, chứng chỉ):

4. Hướng dẫn NCS, HVCH/CK2/BSNT đã được cấp bằng/có quyết định cấp bằng

TT	Họ tên NCS hoặc HVCH/CK2/BSNT	Đối tượng		Trách nhiệm hướng dẫn		Thời gian hướng dẫn từ ... đến ...	Cơ sở đào tạo	Ngày, tháng, năm được cấp bằng/có quyết định cấp bằng
		NCS	HVCH/CK2/BSNT	Chính	Phụ			
1	Đặng Cao Cường	X		X		12/2009-5/2014	Trường Đại học Công nghệ, ĐHQGHN	12/5/2014
2	Hoàng Thị Điệp	X		X		01/2013-10/2019	Trường Đại học Công nghệ, ĐHQGHN	23/10/2019
3	Nguyễn Thị Phương Thảo	X		X		2016-2020	Trường Đại học Công nghệ, ĐHQGHN	4/9/2020

Ghi chú: Ứng viên chức danh GS chỉ kê khai thông tin về hướng dẫn NCS.

5. Biên soạn sách phục vụ đào tạo từ trình độ đại học trở lên:

TT	Tên sách	Loại sách (CK, GT, TK, HD)	Nhà xuất bản và năm xuất bản	Số tác giả	Chủ biên	Phần biên soạn (từ trang ... đến trang)	Xác nhận của cơ sở GDDH (số văn bản xác nhận sử dụng sách)
----	----------	----------------------------	------------------------------	------------	----------	---	--

Ban hành kèm theo Công văn số: 82/HĐGSNN ngày 18/5/2022 của Chủ tịch HĐGS nhà nước

I Trước khi được công nhận PGS							
1	Lập trình căn bản với C++	GT	Nhà xuất bản Đại học Quốc gia Hà Nội, 2011	2	Viết chung	Trang 1-87 (87/177 trang)	Giấy xác nhận sử dụng sách và giáo trình của Trường Đại học Công nghệ, ĐHQGHN số 1008/ĐT ngày 29/5/2024.
II Sau khi được công nhận PGS							
2	Các phương pháp phân tích dữ liệu sinh học có kích thước lớn	CK	Nhà xuất bản Đại học Quốc gia Hà Nội, 2019	1	Một mình	Toàn bộ quyển sách 179 trang	Giấy xác nhận sử dụng sách và giáo trình của Trường Đại học Công nghệ, ĐHQGHN số 1008/ĐT ngày 29/5/2024.
3	Nhập môn Tin sinh học (xuất bản lần đầu năm 2014; tái bản lần thứ nhất, có chỉnh sửa, bổ sung năm 2024)	GT	Nhà xuất bản Đại học Quốc gia Hà Nội, 2024	1	Một mình	Toàn bộ quyển sách 247 trang	Giấy xác nhận sử dụng sách và giáo trình của Trường Đại học Công nghệ, ĐHQGHN số 1008/ĐT ngày 29/5/2024.

Trong đó: Số lượng (ghi rõ các số TT) sách chuyên khảo do nhà xuất bản có uy tín xuất bản và chương sách do nhà xuất bản có uy tín trên thế giới xuất bản, mà ứng viên là chủ biên sau PGS: 0 ()

6. Thực hiện nhiệm vụ khoa học và công nghệ đã nghiệm thu:

TT	Tên nhiệm vụ khoa học và công nghệ (CT, ĐT...)	CN/PCN/TK	Mã số và cấp quản lý	Thời gian thực hiện	Thời gian nghiệm thu (ngày, tháng, năm)/Xếp loại KQ
I Trước khi được công nhận PGS					
1	ĐT: Xây dựng mô hình biến đổi axit amin của vi rút	CN	102.03.24.09, Quỹ Phát triển Khoa học và Công nghệ Quốc gia Nafosted (cấp Bộ)	11/2009 đến 11/2011	Nghiệm thu ngày 11/2/2012; Xếp loại: Đạt Quyết định số 38/QĐ-QPTKH ngày 07/03/2012

2	ĐT: Xây dựng hệ gen hoàn chỉnh một người Việt	CN	QKHCN.13.01, ĐHQGHN (tương đương cấp Bộ)	9/2013 đến 3/2015	Nghiệm thu ngày 27/3/2015; Xếp loại: Xuất sắc Giấy chứng nhận hoàn thành đề tài KH&CN cấp Đại học Quốc gia Hà Nội số 02/2015 ngày 04/8/2015
II	Sau khi được công nhận PGS				
3	ĐT: Các phương pháp nhanh giải các bài toán phân tích mối quan hệ giữa các trình tự cho các tập dữ liệu lớn	CN	102.01-2013.04, Quỹ Phát triển Khoa học và Công nghệ Quốc Gia Nafosted (cấp Bộ)	3/2014 đến 3/2018	Nghiệm thu ngày 20/6/2018; Xếp loại: Đạt Quyết định số 171/QĐ-HĐQL-NAFOSTED ngày 15/10/2018
4	ĐT: Xây dựng hệ thống phân tích hệ exome hỗ trợ chẩn đoán, tiên lượng và điều trị bệnh Thalassemia và đa u tủy xương	CN	QG.16.83, ĐHQGHN (tương đương cấp Bộ)	5/2016 đến 5/2018	Nghiệm thu ngày 30/3/2018; Xếp loại: Tốt Giấy chứng nhận hoàn thành đề tài KH&CN cấp Đại học Quốc gia Hà Nội số 09/2018 ngày 16/10/2018
5	ĐT: Xây dựng mô hình thay thế axit amin từ dữ liệu hệ gen	CN	102.01-2019.06, Quỹ Phát triển Khoa học và Công nghệ Quốc Gia Nafosted (cấp Bộ)	9/2019 đến 9/2023	Nghiệm thu ngày 12/11/2023; Xếp loại: Đạt Quyết định số 54/QĐ-HĐQL-NAFOSTED ngày 28/12/2023

- Các chữ viết tắt: CT: Chương trình; ĐT: Đề tài; CN: Chủ nhiệm; PCN: Phó chủ nhiệm; TK: Thư ký.

7. Kết quả nghiên cứu khoa học và công nghệ đã công bố (bài báo khoa học, báo cáo khoa học, sáng chế/giải pháp hữu ích, giải thưởng quốc gia/quốc tế): **64** (23 bài Q1; 8 bài Q2; 1 bài Q3; 22 bài hội nghị quốc tế thuộc danh mục Scopus)

7.1.a. Bài báo khoa học, báo cáo khoa học đã công bố:

T	Tên bài báo/báo cáo KH	Số tác giả	Là tác giả chính	Tên tạp chí hoặc kỷ yếu khoa học/ISSN hoặc ISBN	Loại Tạp chí quốc tế uy tín: ISI, Scopus (IF, Qi)	Số lần trích dẫn (không tính tự trích dẫn)	Tập, số, trang	Tháng, năm công bố	Trang
A Trước khi được công nhận PGS									
1	A discrete location problem http://journals.math.ac.vn/acta/pdf/0302185.pdf	3	-	ACTA mathematica Vietnamica ISSN:0251-4184 NXB: Institute of Mathematics, Vietnamese Academy of Science and Technology	-	2	Tập 28, Số 2, 185-199	T6, 2003	1
2	PhyNav: A novel approach to reconstruct large phylogenies https://link.springer.com/chapter/10.1007/3-540-28084-7_44	3	Có	Proceedings of the 28 th Annual Conference of German Classification Society, Dortmund, Germany NXB: Springer ISBN: 978-3-540-25677-9	Scopus	17	386-393	T3, 2004	19
3	IQPNNI: moving fast through tree space and stopping in time https://doi.org/10.1093/molbev/msh176	2	Có	Molecular Biology Evolution ISSN: 0737-4038 NXB: Oxford University Press <i>Xuất bản dạng đồng đến 2021; Tạp chí ISI uy tín của Nafosted</i>	ISI (SCI) IF=5.7 Q1 H-index: 245	173	Tập 21, Số 8, 1565-1571	T8, 2004	31
4	Shortest triplet clustering: reconstructing large phylogenies using representative sets https://doi.org/10.1186/1471-2105-6-92	2	Có	BMC Bioinformatics ISSN:1471-2105 NXB: BMC của Springer Nature <i>Xuất bản dạng mở; Tạp chí quốc tế uy tín của Nafosted</i>	ISI (SCIE) IF=5.3 Q1 H-index: 242	28	Tập 6, Bài 92, 1-14	T4, 2005	41
5	pIQPNNI-Parallel reconstruction of large maximum likelihood phylogenies https://doi.org/10.1093/bioinformatics/bti594	4	-	Bioinformatics ISSN: 1367-4803 NXB: Oxford University Press <i>Xuất bản dạng đồng đến 2023; Tạp chí ISI uy tín của Nafosted</i>	ISI (SCI) IF=6.2 Q1 H-index: 462	91	Tập 21, Số 19, 3794-3796	T7, 2005	58
6	Large maximum likelihood trees	4	-	Proceedings of the John von Neumann Institute for Computing	-	18	357-365	T3, 2006	64

T	Tên bài báo/báo cáo KH	Số tác giả	Là tác giả chính	Tên tạp chí hoặc kỷ yếu khoa học/ISSN hoặc ISBN	Loại Tạp chí quốc tế uy tín: ISI, Scopus (IF, Qi)	Số lần trích dẫn (không tính tự trích dẫn)	Tập, số, trang	Tháng, năm công bố	Trang
	https://juser.fz-juelich.de/record/152650/files/FZJ-2014-02281.pdf			Symposium, Jülich, Germany. ISBN: 3-00-017351-X					
7	Association-based dissimilarity measures for categorical data: limitation and improvement https://doi.org/10.1007/11731139_57	3	-	Advances in Knowledge Discovery and Data Mining, 10th Pacific-Asia Conference PAKDD, Singapore ISBN:978-3-540-33206-0 NXB: Springer	Scopus	-	493-498	T4, 2006	79
8	Pairwise alignment with rearrangements https://pubmed.ncbi.nlm.nih.gov/17503387/	3	Có	Genome Informatics ISSN: 0919-9454 NXB: Japanese Bioinformatics Society (The 17th International Conference on Genome Informatics, Yokohama Pacifico, Japan)	Scopus	3	Tập 17, Số 2, 141-151	T12, 2006	91
9	Towards phylogenomic reconstruction https://dblp.org/db/conf/biocomp/biocomp2007-1.html	4	Có	Proceedings of International Conference on Bioinformatics & Computational Biology, Las Vegas Nevada, USA ISBN:1-60132-041-8 NXB: CSREA Press	-	-	98-104	T6, 2007	106
10	A book review of “Computational Molecular Evolution” https://doi.org/10.1080/10635150701752532	2	Có	Systematic Biology ISSN: 1063-5157 NXB: Oxford University Press <i>Xuất bản dạng đóng có lựa chọn mở; Tạp chí ISI uy tín của Nafosted</i>	ISI (SCI) IF=7.1 Q1 H-index: 201	1	Tập 56 Số 6 1024-1026	T12, 2007	115
11	Limits of maximum likelihood models for protein phylogenetics http://www.jaist.ac.jp/~ken/KLLBI/	2	-	The workshop on Knowledge, Language, and Learning in Bioinformatics (KLLBI), in conjunction with The Tenth Pacific Rim International Conference on Artificial Intelligence, Hanoi, Vietnam	-	-	22-35	T12, 2008	121

T	Tên bài báo/báo cáo KH	Số tác giả	Là tác giả chính	Tên tạp chí hoặc kỷ yếu khoa học/ISSN hoặc ISBN	Loại Tạp chí quốc tế uy tín: ISI, Scopus (IF, Qi)	Số lần trích dẫn (không tính tự trích dẫn)	Tập, số, trang	Tháng, năm công bố	Trang
12	Loss of <i>matK</i> RNA editing in seed plant chloroplasts https://doi.org/10.1186/1471-2148-9-201	6	-	BMC Evolutionary Biology (ISSN: 1471-2148), <i>đổi tên mới thành</i> BMC Ecology and Evolution (ISSN: 2730-7182) NXB: BMC của Springer Nature <i>Xuất bản dạng mở; Tạp chí ISI uy tín của Nafosted</i>	ISI (SCIE) IF=4.4 Q1 H-index: 146	18	Tập 9, Bài 201 1-10	T8, 2009	137
13	POY version 4: phylogenetic analysis using dynamic homologies https://doi.org/10.1111/j.1096-0031.2009.00282.x	3	-	Cladistics (ISSN:1096-0031) NXB: Wiley <i>Xuất bản dạng đóng có lựa chọn mở; Tạp chí ISI uy tín của Nafosted</i>	ISI (SCI) IF=6.7 Q1 H-index: 104	217	Tập 26, Số 1 72-85	T2, 2010	151
14	FLU, an amino acid substitution model for influenza proteins https://doi.org/10.1186/1471-2148-10-99	4	-	BMC Evolutionary Biology (ISSN: 1471-2148), <i>đổi tên mới thành</i> BMC Ecology and Evolution (ISSN: 2730-7182) NXB: BMC của Springer Nature <i>Xuất bản dạng mở; Tạp chí ISI uy tín của Nafosted</i>	ISI (SCIE) IF=3.9 Q1 H-index: 146	65	Tập 10, Bài: 99 1-11	T4, 2010	168
15	FS: A fast algorithm for genome rearrangements https://www.scopus.com/record/display.uri?eid=2-s2.0-84878123225&origin=resultslist	3	-	Proceedings of International Conference on Bioinformatics, Computational Biology, Genomics and Cheminformatics, Orlando, Florida, USA ISBN: 978-1-61782-069-4	Scopus	-	37-42	T7, 2010	183
16	Random Tree-Puzzle leads to the Yule–Harding distribution https://doi.org/10.1093/molbev/msq212	3	Có	Molecular Biology Evolution (ISSN: 0737-4038) NXB: Oxford University Press <i>Xuất bản dạng đóng đến 2021; Tạp chí ISI uy tín của Nafosted</i>	ISI (SCI) IF=5.5 Q1 H-index: 245	9	Tập 28, Số 2, 873-877	T8, 2010	193

T T	Tên bài báo/báo cáo KH	Số tác giả	Là tác giả chính	Tên tạp chí hoặc kỷ yếu khoa học/ISSN hoặc ISBN	Loại Tạp chí quốc tế uy tín: ISI, Scopus (IF, Qi)	Số lần trích dẫn (khôn g tính tự trích dẫn)	Tập, số, trang	Tháng, năm công bố	Trang
17	EM-Coffee: an improvement of M-Coffee https://ieeexplore.ieee.org/document/5632158	5	-	Proceedings of 2010 Second International Conference on Knowledge and Systems Engineering ISBN: 978-0-7695-4213-3 NXB: IEEE	Scopus	-	14-19	T10, 2010	201
18	ReplacementMatrix: a web server for maximum likelihood estimation of amino acid replacement rate matrices https://doi.org/10.1093/bioinformatics/btr435	5	-	Bioinformatics ISSN: 1367-4803 NXB: Oxford University Press <i>Xuất bản dạng đóng đến 2023; Tạp chí ISI uy tín của Nafosted</i>	ISI (SCI) IF=5.4 Q1 H-index: 462	21	Tập 27, Số 19, 2758- 2760	T7, 2011	210
19	A fast and efficient method for estimating amino acid substitution models https://ieeexplore.ieee.org/document/6063449	4	Có	Proceedings of 2011 Third International Conference on Knowledge and Systems Engineering ISBN: 978-0-7695-4567-7 NXB: IEEE	Scopus	3	85-90	T10, 2011	216
20	Protein type specific amino acid substitution models for influenza viruses https://ieeexplore.ieee.org/document/6063451	4	Có	Proceedings of 2011 Third International Conference on Knowledge and Systems Engineering ISBN: 978-0-7695-4567-7 NXB: IEEE	Scopus	2	98-103	T10, 2011	227
21	Detecting bad SNPs from Illumina BeadChips using Jeffreys distance https://ieeexplore.ieee.org/document/6299393	3	Có	Proceedings of 2012 Fourth International Conference on Knowledge and Systems Engineering ISBN: 978-1-4673-2171-6 NXB: IEEE	Scopus		18-25	T8, 2012	238
22	A maximum likelihood method for detecting bad	3	Có	Proceedings of 2012 Fourth International Conference on	Scopus		26-33	T8, 2012	250

T	Tên bài báo/báo cáo KH	Số tác giả	Là tác giả chính	Tên tạp chí hoặc kỷ yếu khoa học/ISSN hoặc ISBN	Loại Tạp chí quốc tế uy tín: ISI, Scopus (IF, Qi)	Số lần trích dẫn (không tính tự trích dẫn)	Tập, số, trang	Tháng, năm công bố	Trang
	samples from Illumina BeadChip data https://ieeexplore.ieee.org/document/6299394			Knowledge and Systems Engineering ISBN: 978-1-4673-2171-6 NXB: IEEE					
23	ACOHAP: an efficient ant colony optimization for the haplotype inference by pure parsimony problem https://doi.org/10.1007/s11721-013-0077-8	3	Có	Swarm Intelligence ISSN: 1935-3812 NXB: Springer <i>Xuất bản dạng đóng có lựa chọn mở; Tạp chí quốc tế uy tín của Nafosted</i>	ISI (SCIE) IF=1.8 Q2 H-index: 45	4	Tập 7, Số 1, 63-77	T3, 2013	262
24	FastMG: a simple, fast, and accurate maximum likelihood procedure to estimate amino acid replacement rate matrices from large data sets https://doi.org/10.1186/1471-2105-15-341	5	-	BMC Bioinformatics ISSN:1471-2105 NXB: BMC của Springer Nature <i>Xuất bản dạng mở; Tạp chí quốc tế uy tín của Nafosted</i>	ISI (SCIE) IF=3.1 Q1 H-index: 242	10	Tập 15, Bài 341 1-10	T10, 2014	280
25	Whole Genome Analysis of a Vietnamese trio https://doi.org/10.1007/s12038-015-9501-0	12	đồng tác giả liên hệ, phụ trách toàn bộ dự án	Journal of Bioscience ISSN: 0250-5991 NXB: Springer <i>Xuất bản dạng đóng; Tạp chí ISI uy tín của Nafosted</i>	ISI (SCIE) IF=1.4 Q1 H-index: 85	4	Tập 40 Số 1 113-124	T3, 2015	293
B Sau khi được công nhận PGS									
26	MVRM: A hybrid approach to predict siRNA efficacy	3	-	Proceedings of 2015 Seventh International Conference on Knowledge and Systems Engineering ISBN:978-1-4673-8013-3	Scopus	1	120-125	T10, 2015	308

T	Tên bài báo/báo cáo KH	Số tác giả	Là tác giả chính	Tên tạp chí hoặc kỷ yếu khoa học/ISSN hoặc ISBN	Loại Tạp chí quốc tế uy tín: ISI, Scopus (IF, Qi)	Số lần trích dẫn (không tính tự trích dẫn)	Tập, số, trang	Tháng, năm công bố	Trang
	https://ieeexplore.ieee.org/document/7371769 (Best paper award)			NXB: IEEE					
27	Mechanisms of sex determination and transmission ratio distortion in <i>Aedes aegypti</i> https://doi.org/10.1186/s13071-016-1331-x	4	-	Parasites & Vectors ISSN: 1756-3305 NXB: BMC của Springer Nature <i>Xuất bản dạng mở; Tạp chí quốc tế uy tín của Nafosted</i>	ISI (SCIE) IF=3.08 Q1 H-index: 111	30	Tập 9 Bài 49 1-13	T1, 2016	319
28	Building ancestral recombination graphs for whole genomes https://doi.org/10.1109/TCBB.2016.2542801	4	-	IEEE/ACM Transactions on Computational Biology and Bioinformatics ISSN: 1545-5963 NXB: IEEE <i>Xuất bản dạng đóng có lựa chọn mở; Tạp chí quốc tế uy tín của Nafosted</i>	ISI (SCIE) IF=2.4 Q2 H-index: 89	3	Tập 14 Số 2 478-483	T4, 2017	335
29	Improved mitochondrial amino acid substitution models for metazoan evolutionary studies https://doi.org/10.1186/s12862-017-0987-y	3	Có	BMC Evolutionary Biology (ISSN: 1471-2148), <i>đổi tên mới thành</i> BMC Ecology and Evolution ISSN: 2730-7182 NXB: BMC của Springer Nature <i>Xuất bản dạng mở; Tạp chí ISI uy tín của Nafosted</i>	ISI (SCIE) IF=3.1 Q1 H-index: 146	26	Tập 17 Bài 136 1-13	T6, 2017	344
30	A mutation in <i>GABRB3</i> associated with Dravet syndrome https://doi.org/10.1002/ajmg.a.38282	5	Có	American Journal Medical Genetics Part A ISSN: 1552-4825 NXB: Wiley <i>Xuất bản dạng đóng có lựa chọn mở; Tạp chí quốc tế của Nafosted</i>	ISI (SCIE) IF=2.2 Q2 H-index: 131	21	Tập 173 Số 8 2126-2131	T8, 2017	361
31	UFBoot2: Improving the ultrafast bootstrap approximation	5	đồng tác giả liên hệ	Molecular Biology Evolution ISSN: 0737-4038 NXB: Oxford University Press	ISI (SCI) IF=10.2 Q1 H-index: 245	6588	Tập 35 Số 2 518-522	T10, 2017	370

T	Tên bài báo/báo cáo KH	Số tác giả	Là tác giả chính	Tên tạp chí hoặc kỷ yếu khoa học/ISSN hoặc ISBN	Loại Tạp chí quốc tế uy tín: ISI, Scopus (IF, Qi)	Số lần trích dẫn (không tính tự trích dẫn)	Tập, số, trang	Tháng, năm công bố	Trang
	https://doi.org/10.1093/molbev/msx281			Xuất bản dạng đóng đến 2021; Tạp chí ISI uy tín của Nafosted					
32	Genomedics: whole exome analysis system for clinical studies https://ieeexplore.ieee.org/document/8119449	8	Có	Proceedings of 2017 9th International Conference on Knowledge and Systems Engineering ISBN: 978-1-5386-3576-6 NXB: IEEE	Scopus	-	142-147	T10, 2017	379
33	Building minimum recombination ancestral recombination graphs for whole genomes https://ieeexplore.ieee.org/document/8108072	2	Có	Proceedings of 2017 4th NAFOSTED Conference on Information and Computer Science ISBN: 978-153863210-9 NXB: IEEE	Scopus	1	248-253	T11, 2017	389
34	Bước đầu ứng dụng kỹ thuật giải trình tự hệ exome để phát hiện các bất thường di truyền ở bệnh nhân đa u tủy xương tại Viện Huyết học và Truyền máu Trung Ương (phụ trách phân tích hệ gene)	9	-	Hội nghị Huyết học và Truyền máu phía Nam mở rộng lần thứ 4 Bài đăng trên phụ bản của Tạp chí Y học Thành phố Hồ Chí Minh ISSN: 1859-1779 NXB: Đại học Y Dược Thành phố Hồ Chí Minh	Tạp chí quốc gia uy tín của Nafosted	-	Phụ bản Tập 21 Số 6 510-517	T12, 2017	399
35	MPBoot: Fast phylogenetic maximum parsimony tree inference and bootstrap approximation https://doi.org/10.1186/s12862-018-1131-3	6	-	BMC Evolutionary Biology (ISSN: 1471-2148), đổi tên mới thành BMC Ecology and Evolution ISSN: 2730-7182 NXB: BMC của Springer Nature Xuất bản dạng mở; Tạp chí ISI uy tín của Nafosted	ISI (SCIE) IF=3.06 Q1 H-index: 146	151	Tập 18 Bài 11 1-11	T2, 2018	409

T	Tên bài báo/báo cáo KH	Số tác giả	Là tác giả chính	Tên tạp chí hoặc kỷ yếu khoa học/ISSN hoặc ISBN	Loại Tạp chí quốc tế uy tín: ISI, Scopus (IF, Qi)	Số lần trích dẫn (không tính tự trích dẫn)	Tập, số, trang	Tháng, năm công bố	Trang
36	Building a specific amino acid substitution model for Dengue viruses https://ieeexplore.ieee.org/document/8573341	3	-	Proceedings of 2018 10th International Conference on Knowledge and Systems Engineering ISBN: 978-1-5386-6113-0 NXB: IEEE	Scopus	3	242-246	T12, 2018	424
37	A hybrid approach to optimize the number of recombinations in ancestral recombination graphs https://dl.acm.org/doi/10.1145/3314367.3314385	2	Có	Proceedings of the 9th International Conference on Bioscience, Biochemistry and Bioinformatics, Singapore ISBN:978-1-4503-6654-0 NXB: ACM	Scopus	1	36-42	T1, 2019	433
38	A computational framework to analyze human genomes https://vjs.ac.vn/index.php/jcc/article/view/13827 (viết bài theo lời mời từ tạp chí)	1	Có	Journal of Computer Science and Cybernetics ISSN: 1813-9663 NXB: Vietnam Academy of Science and Technology	Asian Citation Index		Tập 35 Số 2 105-118	T6, 2019	443
39	A Vietnamese human genetic variation database https://doi.org/10.1002/humu.23835 (Editor's choice articles)	10	Có	Human Mutation ISSN: 1059-7794 NXB: Wiley <i>Xuất bản dạng đồng đến 2023; Tạp chí ISI uy tín của Nafosted</i>	ISI (SCI) IF=4.1 Q1 H-index: 182	40	Tập 40 Số 10 1664-1675	T10, 2019	458
40	Phylogenetic and phylogenomic analyses for large datasets https://doi.org/10.32913/mic-ict-research.v2019.n2.898	1	Có	Journal of Information and Communication (Research and Development on Information and Communication Technology) ISSN: 1859-3534 NXB: Vietnam Ministry of Information and Communications	-	-	Tập 2019 Số 2 84-92	T12, 2019	474
41	A novel de novo variant of LAMA2 contributes to merosin deficient	4	-	Biomedical Reports ISSN: 2049-9434 NXB: Spandios Publications	ISI (SCIE) IF=1.96 Q2	6	Tập 12 Số 2 46-50	T2, 2020	484

T	Tên bài báo/báo cáo KH	Số tác giả	Là tác giả chính	Tên tạp chí hoặc kỷ yếu khoa học/ISSN hoặc ISBN	Loại Tạp chí quốc tế uy tín: ISI, Scopus (IF, Qi)	Số lần trích dẫn (không tính tự trích dẫn)	Tập, số, trang	Tháng, năm công bố	Trang
	congenital muscular dystrophy type 1A: Case report https://doi.org/10.3892/br.2019.1260			<i>Xuất bản dạng đóng có lựa chọn mở</i>	H-index: 38				
42	Genetic landscape of autism spectrum disorder in Vietnamese children https://www.nature.com/articles/s41598-020-61695-8	12	đồng tác giả liên hệ	Scientific Reports (tạp chí thuộc Nature) ISSN:2045-2322 NXB: Springer Nature <i>Xuất bản dạng mở; Tạp chí ISI uy tín của Nafosted</i>	ISI (SCIE) IF=4.3 Q1 H-index: 315	26	Tập 10 Bài 5034 1-11	T3, 2020	492
43	FLAVI: an amino acid substitution model for flaviviruses https://doi.org/10.1007/s00239-020-09943-3	2	Có	Journal of Molecular Evolution ISSN:0022-2844 NXB: Springer <i>Xuất bản dạng đóng có lựa chọn mở; Tạp chí ISI uy tín của Nafosted</i>	ISI (SCI) IF=2.4 Q2 H-index: 136	7	Tập 88, Số 5, 445-452	T7, 2020	506
44	A protein alignment partitioning method for protein phylogenetic inference https://ieeexplore.ieee.org/document/9140797	2	Có	Proceedings of 2020 RIVF International Conference on Computing and Communication Technologies ISBN: 978-1-7281-5377-3 NXB: IEEE	Scopus	-	82-86	T10, 2020	517
45	mPartition: a model-based method for partitioning alignments https://doi.org/10.1007/s00239-020-09963-z	2	Có	Journal of Molecular Evolution ISSN:0022-2844 NXB: Springer <i>Xuất bản dạng đóng có lựa chọn mở; Tạp chí ISI uy tín của Nafosted</i>	ISI (SCI) IF=2.4 Q2 H-index: 136	1	Tập 88 số 8-9 641-652	T11, 2020	528
46	<i>i</i> K-means: an improvement of the iterative <i>k</i> -means partitioning algorithm https://ieeexplore.ieee.org/document/9287221	5	-	Proceedings of 2020 12th International Conference on Knowledge and Systems Engineering ISBN: 978-1-7281-4510-5 NXB: IEEE	Scopus	1	300-305	T11, 2020	543

T	Tên bài báo/báo cáo KH	Số tác giả	Là tác giả chính	Tên tạp chí hoặc kỷ yếu khoa học/ISSN hoặc ISBN	Loại Tạp chí quốc tế uy tín: ISI, Scopus (IF, Qi)	Số lần trích dẫn (không tính tự trích dẫn)	Tập, số, trang	Tháng, năm công bố	Trang
47	De novo homozygous variant of the <i>SCN1A</i> gene in a patient with severe Dravet syndrome complicated by acute encephalopathy https://doi.org/10.1007/s10048-021-00636-7	7	-	Neurogenetics ISSN: 1364-6745 NXB: Springer <i>Xuất bản dạng đóng có lựa chọn mở; Tạp chí quốc tế uy tín của Nafosted</i>	ISI (SCIE) IF=3.01 Q1 H-index: 67	2	Tập 22, 133-136	T3, 2021	553
48	QMaker: fast and accurate method to estimate empirical models of protein evolution https://doi.org/10.1093/sysbio/syab010	4	đồng tác giả liên hệ	Systematic Biology ISSN: 1063-5157 NXB: Oxford Academic Press <i>Xuất bản dạng đóng có lựa chọn mở; Tạp chí ISI uy tín của Nafosted</i>	ISI (SCI) IF=9.1 Q1 H-index: 201	41	Tập 70, Số 5, 1046-1060	T9, 2021	560
49	fastTIGER: a rapid method for estimating evolutionary rates of sites from large datasets https://ieeexplore.ieee.org/document/9648748	2	Có	Proceedings of 2021 13th International Conference on Knowledge and Systems Engineering ISBN: 978-1-6654-9976-7 NXB: IEEE	Scopus	-	157-161	T11, 2021	578
50	Modeling amino acid substitutions for whole genomes https://doi.org/10.15625/1813-9663/37/4/15937	1	Có	Journal of Computer Science and Cybernetics ISSN: 1813-9663 NXB: Vietnam Academy of Science and Technology	Asian Citation Index	-	Tập 37, Số 4, 351-363	T12, 2021	588
51	nQMaker: estimating time non-reversible amino acid substitution models https://doi.org/10.1093/sysbio/syac007	7	Có	Systematic Biology ISSN: 1063-5157 NXB: Oxford University Press <i>Xuất bản dạng đóng có lựa chọn mở; Tạp chí ISI uy tín của Nafosted</i>	ISI (SCI) IF=6.5 Q1 H-index: 201	7	Tập 71, Số 5, 1110-1123	T2, 2022	602
52	Exploring the Kinh Vietnamese genomic database for the	6	Có	Annals of Human Biology ISSN: 0301-4460 NXB: Taylor & Francis	ISI (SCIE) IF=1.7	-	Tập 49, Số 2	T5, 2022	619

T	Tên bài báo/báo cáo KH	Số tác giả	Là tác giả chính	Tên tạp chí hoặc kỷ yếu khoa học/ISSN hoặc ISBN	Loại Tạp chí quốc tế uy tín: ISI, Scopus (IF, Qi)	Số lần trích dẫn (không tính tự trích dẫn)	Tập, số, trang	Tháng, năm công bố	Trang
	polymorphisms of the P450 genes toward precision public health https://doi.org/10.1080/03014460.2022.2052961			<i>Xuất bản dạng đóng đến 2023; Tạp chí quốc tế uy tín của Nafosted</i>	Q3 H-index: 67		152-155		
53	A protein secondary structure-based algorithm for partitioning large protein alignments https://ieeexplore.ieee.org/document/9953767	2	Có	Proceedings of 2022 14th International Conference on Knowledge and Systems Engineering ISBN: 978-1-6654-5282-3 NXB: IEEE	Scopus	-	200-204	T10, 2022	627
54	Estimating amino acid substitution models for metazoan evolutionary studies https://doi.org/10.1111/jeb.14147	2	Có	Journal of Evolutionary Biology ISSN:1010-061X NXB: Oxford University Press <i>Xuất bản dạng đóng có lựa chọn mở; Tạp chí ISI uy tín của Nafosted</i>	ISI (SCI) IF=2.1 Q1 H-index: 142	-	Tập 36 Số 3 499-506	T3, 2023	637
55	Rooting phylogenetic trees from protein alignments https://ieeexplore.ieee.org/document/10299425	3	Có	Proceedings of 2023 15th International Conference on Knowledge and Systems Engineering ISBN: 979-8-3503-2974-2 NXB: IEEE	Scopus	-	251-255	T10, 2023	648
56	A method to create NIPT samples with Turner disorder to evaluate NIPT algorithms https://doi.org/10.25073/2588-1086/vnucsc.1611	1	Có	VNU Journal of Science: Computer Science and Communication Engineering ISSN:0866-8612 (2615-9260) NXB: Vietnam National University Press, Hanoi	-	-	Tập 39 Số 2 101-108	T12, 2023	658
57	Estimating amino acid substitution models from genome datasets: a simulation study on the performance of estimated models	3	Có	Journal of Evolutionary Biology ISSN:1010-061X NXB: Oxford University Press <i>Xuất bản dạng đóng có lựa chọn mở; Tạp chí ISI uy tín của Nafosted</i>	ISI (SCI) IF=2.1 Q1 H-index: 142	-	Tập 37 Số 2 256-265	T2, 2024	667

T	Tên bài báo/báo cáo KH	Số tác giả	Là tác giả chính	Tên tạp chí hoặc kỷ yếu khoa học/ISSN hoặc ISBN	Loại Tạp chí quốc tế uy tín: ISI, Scopus (IF, Qi)	Số lần trích dẫn (không tính tự trích dẫn)	Tập, số, trang	Tháng, năm công bố	Trang
	https://doi.org/10.1093/jeb/voad017								
58	Efficient methods to generate NIPT male samples with aberrations on sex chromosomes for benchmarking NIPT algorithms	1	Có	Proceedings of 2024 12th International Conference on Bioinformatics and Computational Biology, Tokyo, Japan ISBN: 979-8-3503-7573-2 NXB: IEEE	Scopus	-	127-133	T3, 2024	680
59	Estimating amino acid substitution models and rooting bacterial trees https://doi.org/10.15625/1813-9663/19324	2	Có	Journal of Computer Science and Cybernetics ISSN: 1813-9663 NXB: Vietnam Academy of Science and Technology	Asian Citation Index	-	Tập 40 Số 1 53-66	T3, 2024	690
60	BM-BronchoLC: a rich bronchoscopy dataset for anatomical landmarks and lung cancer lesion recognition https://www.nature.com/articles/s41597-024-03145-y	31	Có	Scientific Data (tạp chí của Nature) ISSN: 2052-4463 NXB: Springer Nature <i>Xuất bản dạng mở; Tạp chí quốc tế uy tín của Nafosted</i>	ISI (SCIE) IF=9.8 Q1 H-index: 120	-	Tập 11, Bài 321 1-9	T3, 2024	705
61	Improving the study of plant evolution with multi-matrix mixture models https://doi.org/10.1007/s00606-024-01896-0	2	Có	Plant Systematics and Evolution ISSN: 0378-2697 NXB: Springer <i>Xuất bản dạng đóng có lựa chọn mở; Tạp chí quốc tế uy tín của Nafosted</i>	ISI (SCIE) IF=1.9 Q2 H-index: 83	-	Tập 310, Bài 14 1-8	T4, 2024	717
62	Benchmarking NIPT algorithms on detecting numerical chromosome trisomy https://doi.org/10.15625/1813-9663/20014	1	Có	Journal of Computer Science and Cybernetics ISSN: 1813-9663 NXB: Vietnam Academy of Science and Technology	Asian Citation Index	-	Tập 40, Số 2, 103-115	T5, 2024	728
63	QMix: an efficient program to	3	Có	Journal Computational Biology	ISI (SCI) IF=1.4	-	Published Online 11/6/2024	T6, 2024	742

Ban hành kèm theo Công văn số: 82/HĐGSNN ngày 18/5/2022 của Chủ tịch HĐGS nhà nước

T	Tên bài báo/báo cáo KH	Số tác giả	Là tác giả chính	Tên tạp chí hoặc kỷ yếu khoa học/ISSN hoặc ISBN	Loại Tạp chí quốc tế uy tín: ISI, Scopus (IF, Qi)	Số lần trích dẫn (không tính tự trích dẫn)	Tập, số, trang	Tháng, năm công bố	Trang
	automatically estimate multi-matrix mixture models for amino acid substitution process https://doi.org/10.1089/cmb.2023.0403			ISSN:1066-5277 NXB: Mary Ann Liebert <i>Xuất bản dạng đóng có lựa chọn mở; Tạp chí quốc tế uy tín của Nafosted</i>	Q2 H-index: 104				
64	Haplotype inference with pure parsimony: a quantum computing approach https://edas.info/web/ieeicc2024/index.html	4	-	Proceedings of 2024 IEEE International Conference on Communications; Selected Areas in Communications: Quantum Communications and Information Technology, Denver, USA ISBN: 978-1-7281-9054-9 NXB: IEEE	Scopus	-	1139-1144	T6, 2024	750

- Trong đó: Số lượng (ghi rõ các số TT) bài báo khoa học đăng trên tạp chí khoa học quốc tế có uy tín mà UV là tác giả chính sau PGS: 12 [29, 30, 39, 43, 45, 51, 52, 54, 57, 60, 61, 63] (6 bài Q1; 5 bài Q2; 1 bài Q3). Ngoài ra, UV còn có 2 bài Q1 là đồng tác giả liên hệ [32, 48] do đặc thù hợp tác nghiên cứu liên ngành.

7.1.b. Bài báo khoa học, báo cáo khoa học đã công bố (*Dành cho các chuyên ngành thuộc ngành KH An ninh và KH Quân sự được quy định tại Quyết định số 25/2020/QĐ-TTg*)

7.2. Bằng độc quyền sáng chế, giải pháp hữu ích

TT	Tên bằng độc quyền sáng chế, giải pháp hữu ích	Tên cơ quan cấp	Ngày tháng năm cấp	Tác giả chính/đồng tác giả	Số tác giả
1					

7.3. Tác phẩm nghệ thuật, thành tích huấn luyện, thi đấu thể dục thể thao đạt giải thưởng quốc gia, quốc tế (đối với ngành Văn hóa, nghệ thuật, thể dục thể thao)

Ban hành kèm theo Công văn số: 82/HĐGSNN ngày 18/5/2022 của Chủ tịch HĐGS nhà nước

TT	Tên tác phẩm nghệ thuật, thành tích huấn luyện, thi đấu TDTT	Cơ quan/tổ chức công nhận	Văn bản công nhận (số, ngày, tháng, năm)	Giải thưởng cấp Quốc gia/Quốc tế	Số tác giả
1					

8. Chủ trì hoặc tham gia xây dựng, phát triển chương trình đào tạo hoặc chương trình/dự án/đề tài nghiên cứu, ứng dụng khoa học công nghệ của cơ sở giáo dục đại học đã được đưa vào áp dụng thực tế:

TT	Chương trình đào tạo, chương trình nghiên cứu ứng dụng KHCN	Vai trò UV (Chủ trì/ Tham gia)	Văn bản giao nhiệm vụ (số, ngày, tháng, năm)	Cơ quan thẩm định, đưa vào sử dụng	Văn bản đưa vào áp dụng thực tế	Ghi chú
1	Chương trình đào tạo đại học ngành Khoa học máy tính	Tham gia	Quyết định số 181/QĐ-ĐTĐH ngày 8/4/2008 của Hiệu trưởng Trường Đại học Công nghệ, ĐHQGHN	Đại học Quốc gia Hà Nội	Quyết định số 102/QĐ-ĐT của Đại học Quốc gia Hà Nội ngày 09/01/2009	Xây dựng mới
2	Chương trình đào tạo đại học ngành Công nghệ thông tin	Tham gia	Quyết định số 345A/QĐ-ĐHCN ngày 20/4/2023 của Hiệu trưởng Trường Đại học Công nghệ, ĐHQGHN	Trường Đại học Công nghệ, ĐHQGHN	Quyết định số 869/QĐ-ĐHCN của Trường Đại học Công nghệ, ĐHQGHN ngày 30/08/2023	Điều chỉnh, cập nhật

9. Các tiêu chuẩn không đủ so với quy định, đề xuất công trình khoa học (CTKH) thay thế*:

a) Thời gian được bổ nhiệm PGS

Được bổ nhiệm PGS chưa đủ 3 năm, còn thiếu (số lượng năm, tháng):

b) Hoạt động đào tạo

- Thâm niên đào tạo chưa đủ 6 năm (UV PGS), còn thiếu (số lượng năm, tháng):

- Giờ giảng dạy

+ Giờ chuẩn giảng dạy trực tiếp trên lớp không đủ, còn thiếu (năm học/số giờ thiếu):

+ Giờ chuẩn giảng dạy quy đổi không đủ, còn thiếu (năm học/số giờ thiếu):

- Hướng dẫn chính NCS/HVCH, CK2/BSNT:

Ban hành kèm theo Công văn số: 82/HĐGSNN ngày 18/5/2022 của Chủ tịch HĐGS nhà nước
+ Đã hướng dẫn chính 01 NCS đã có Quyết định cấp bằng TS (UV chức danh GS)

Đề xuất CTKH để thay thế tiêu chuẩn hướng dẫn 01 NCS được cấp bằng TS bị thiếu:

+ Đã hướng dẫn chính 01 HVCH/CK2/BSNT đã có Quyết định cấp bằng ThS/CK2/BSNT
(UV chức danh PGS)

Đề xuất CTKH để thay thế tiêu chuẩn hướng dẫn 01 HVCH/CK2/BSNT được cấp bằng
ThS/CK2/BSNT bị thiếu:

c) Nghiên cứu khoa học

- Đã chủ trì 01 nhiệm vụ KH&CN cấp Bộ (UV chức danh GS)

Đề xuất CTKH để thay thế tiêu chuẩn chủ trì 01 nhiệm vụ KH&CN cấp Bộ bị thiếu:

- Đã chủ trì 01 nhiệm vụ KH&CN cấp cơ sở (UV chức danh PGS)

Đề xuất CTKH để thay thế tiêu chuẩn chủ trì 01 nhiệm vụ KH&CN cấp cơ sở bị thiếu:

- Không đủ số CTKH là tác giả chính sau khi được bổ nhiệm PGS hoặc được cấp bằng TS:

+ Đối với ứng viên chức danh GS, đã công bố được: 03 CTKH ; 04 CTKH

Đề xuất sách CKUT/chương sách của NXB có uy tín trên thế giới là tác giả chính thay thế
cho việc UV không đủ 05 CTKH là tác giả chính theo quy định:

+ Đối với ứng viên chức danh PGS, đã công bố được: 02 CTKH

Đề xuất sách CKUT/chương sách NXB có uy tín trên thế giới là tác giả chính thay thế cho
việc UV không đủ 03 CTKH là tác giả chính theo quy định:

d) Biên soạn sách phục vụ đào tạo (đối với ứng viên GS)

- Không đủ điểm biên soạn sách phục vụ đào tạo:

- Không đủ điểm biên soạn giáo trình và sách chuyên khảo:

C. CAM ĐOAN CỦA NGƯỜI ĐĂNG KÝ XÉT CÔNG NHẬN ĐẠT TIÊU CHUẨN CHỨC DANH:

Tôi cam đoan những điều khai trên là đúng, nếu sai tôi xin chịu trách nhiệm trước pháp
luật.

Hà Nội, ngày tháng 6 năm 2024

NGƯỜI ĐĂNG KÝ

(Ký và ghi rõ họ tên)

PGS.TS. Lê Sỹ Vinh